

FIG. 1A

FIG. 1B

FIV_{Shi} (Subtype D)

Cats	FH1	FH2	FH5
+	11/00	7/93	1/01 2/01

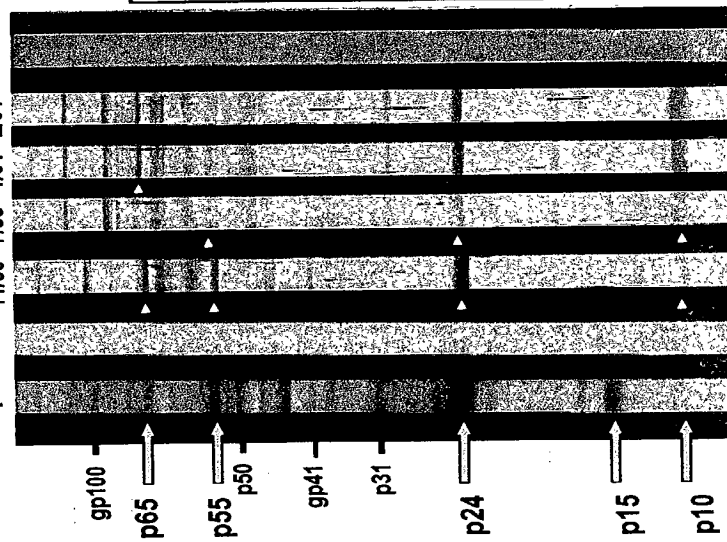


FIG. 1C

VN ANTIBODY	FH1		FH2		FH3		Pooled	C9V
ANALYSES	11/00	3/01	5/01	7/93	2/01	3/01	6/01	HIV+ Pre 36 wk
Anti-FIV / FC1:	<5	5	<5	5	<5	<5	<5	<5 5
Anti-FIV / Pet:	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5 500
Anti-FIV / UK8:	10	<5	<5	25	<5	<5	<5	<5 5
Anti-HIV-1 / UCD1:	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5 500
Anti-HIV-1 / LAV:	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5	<5 500

FIG. 1D

FC1consensus 1:ATGGGGAATGGACAGGGGCGAGACTGGAAGACGGCCGTTAAGAGATCTAGTAATGTTGCTGTAGGGGTAGGGAGTAAGAGTAGAAAGTTTGGAGAAGGAA

FC1 #4 -G-

#5 -G-

#6 -A-

#10 -A- -A- -A- -A- -A-

#12 -A- -A- -A- -A- -A-

#13 -A- -A- -A- -A- -A-

#14 -A- -A- -A- -A- -A-

#15 -A- -A- -A- -A- -A-

#16 -A- -A- -A- -A- -A-

FH1 #1 -A- -A- -A- -A- -A-

#3 -A- -A- -A- -A- -A-

#10 -A- -A- -A- -A- -A-

#20 -A- -A- -A- -A- -A-

#22 -A- -A- -A- -A- -A-

#24 -A- -A- -A- -A- -A-

#41 -A- -A- -A- -A- -A-

#42 -A- -A- -A- -A- -A-

#43 -A- -A- -A- -A- -A-

ACTTTAGGTGGGCCATAAGGATGGCTAATGTAACTACAGGACGAGAACCTGGTGATATACCAGAGAATTTAGAACAGTTAAGATCGATTATTTGTGATTT 200

-T-

A-

FC1consensus 201:ACATGACAGAGAAGACAATATGGATCTAGTAAAGAAATGATATGGCAATTACCACTTTAAAAAGTTTTGCAGTAGCTGGAATTTTAAATATGACTGTG

FC1 #4 -A-

#5 -A-

#6 -A-

#10 -A-

#12 -G-

#13 -G-

#14 -G-

#15 -G-

#16 -G-

FH1 #1 -G-

#3 -G-

#10 -G-

#20 -G-

#22 -G-

#24 -G-

#41 -G-

#42 -G-

#43 -G-

TCTACTGCCGCAGCAGCTGAACACATGTATGCTCAGATGGGATTAGATACCAGACCATCTATAAAAGAAAGTGGGGGAAAAGAAGAGGACCTCCACAGG 400

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

-G-

FIG. 2A

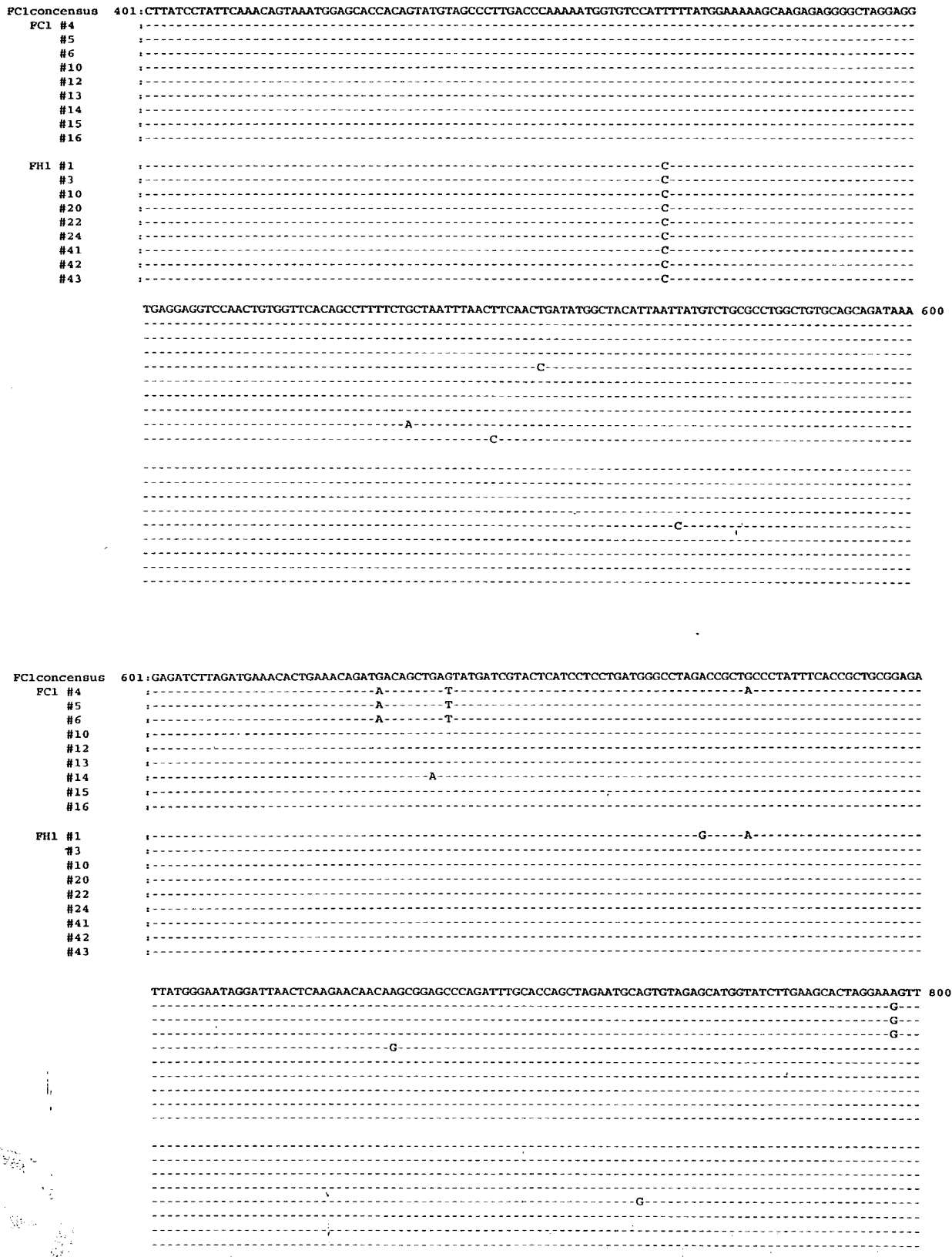


FIG. 2B

FC1consensus 1201:AAACCTGGTCACCTTAGCTGCTAATTGCTGGCAAAGAGGTAAAAAACCCTGGGAAACGGGAAGATGGGGCCAGCTGC

FC1 #4 :-----A-----C-----
 #5 :-----
 #6 :-----A-----
 #10 :-----
 #12 :-----
 #13 :-----
 #14 :-----
 #15 :-----
 #16 :-----A-----

FH1 #1 :-----
 #3 :-----
 #10 :-----
 #20 :-----
 #22 :-----
 #24 :-----
 #41 :-----
 #42 :-----
 #43 :-----

AGCCCCGGTAAACCAAGTGCAGCAATGGTGCCATCTGCACCTCCAATGGAAGACAGGAAATTGTTAGATTATATA 1353

 -----G-----

 -----G-----
 -----G-----

 -----C-----

FIG. 2D

[illegible]

FIG. 2E

FC1consensus 401:KPGHLAANCWQRGKKTPGNGKMGPAAPVNQVQOMVPSAPPMEDRKLLDL 450

FC1 #4 :-----P-----

#5 :-----

#6 400:-----449

#10 :-----

#12 :-----

#13 :-----

#14 :-----

#15 :-----

#16 :-----

FH1 #1 :-----

#3 :-----

#10 :-----G-----

#20 :-----G-----

#22 :-----

#24 :-----

#41 :-----A-----

#42 :-----A-----

#43 :-----

FIG. 2F

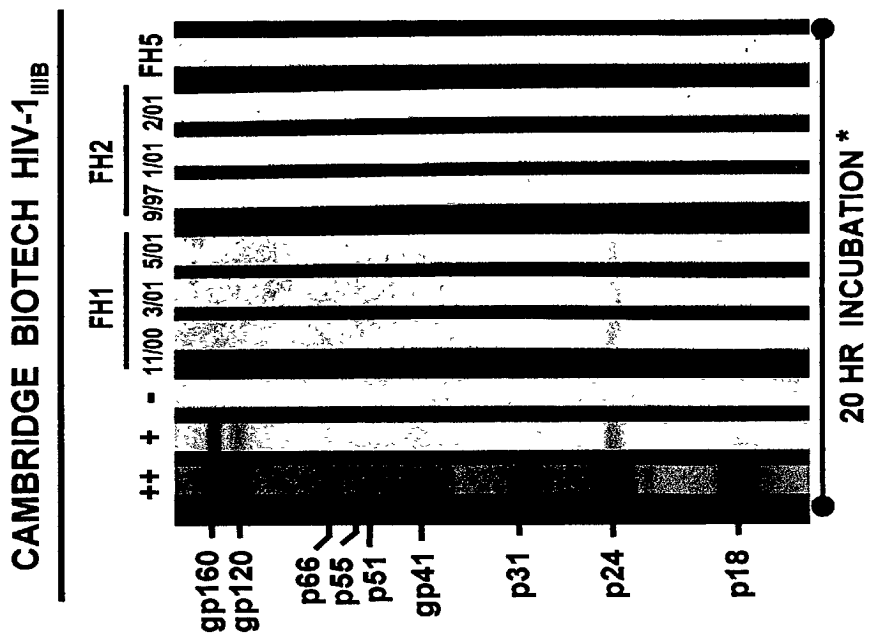


FIG. 3A

BIO-RAD NOVAPATH HIV-1_{UCD1}

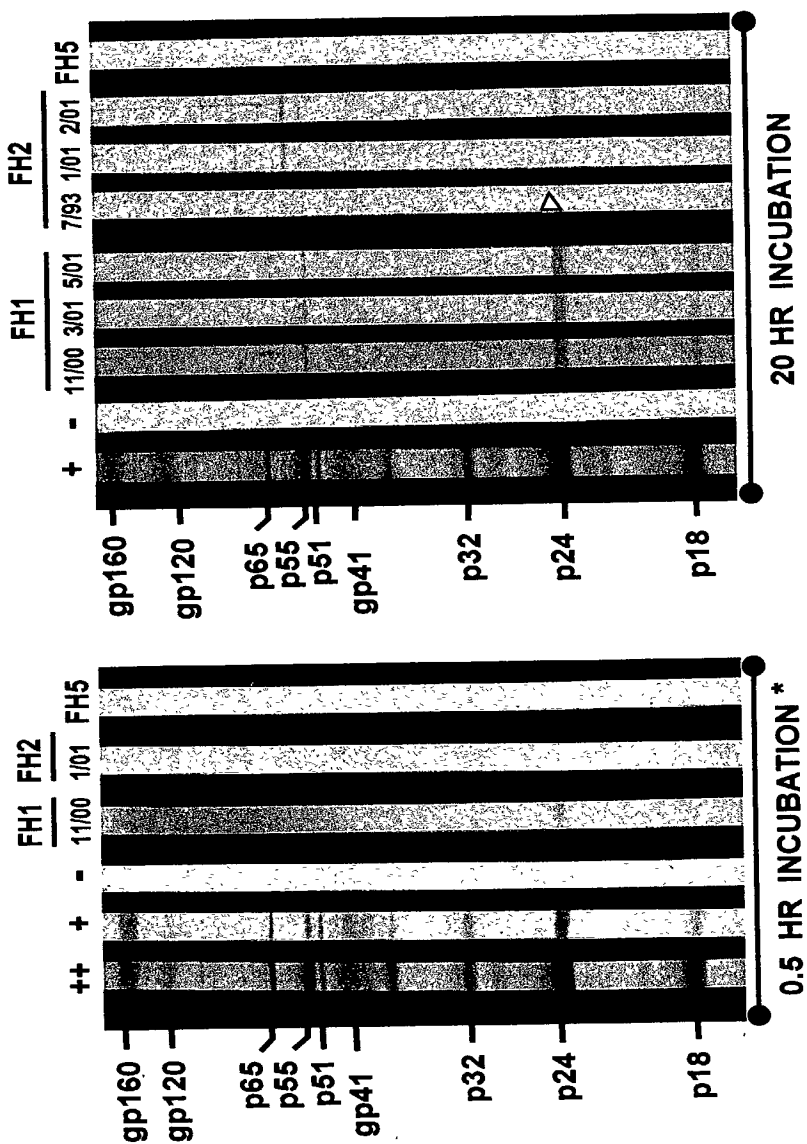


FIG. 3B

FIG. 3C

FH1
FC1
PETALUMA
UK8
PPR
SENDAI-1
BANGSTON
AOMORI-1
AOMORI-2
SENDAI-2
TM2
YOKOHAMA
SHIZUOKA
FUKUOKA

1: ATGGGGAATGGACAGGGGCGAGACTGGAAGACGGCCGTTAAGAGATGTAGTAATGTTGCTGTAGGGGTAGGGAGTAAGACTAGAAAAGTTTGGAGAAGGAA

-----T-----A-T-----A-----A-----G-G-----A-A-----G-
-----T-----A-T-----A-----C-----A-----G-G-----A-A-----G-
-----T-----A-T-----A-----A-----A-----G-G-----A-A-----G-G-
-----T-----T-T-----A-T-----A-----A-----A-----G-G-G-----A-A-----
-----A-T-----A-----A-----A-----A-----GA-C-----
-----T-----A-----A-A-----TACG--ACAACGA--AG--C--G-----

ACTTTAGGTGGGCCATAAGGATGGCTAATGTAACCTACAGGACGGAACCTGGTGATATACCAGAGAATTTAGAACAGTTAAGATCGATTATTGTGATT 200

-----C-----T-AC-----G-T-G-----C-----
-----C-----T-AC-G-----G-T-G-----C-----
-----C-----T-A-----G-T-G-----C-----
-----T-C-A-----T-A-----C-----T-----C-----T-AC-----G-T-G-----C-A-----
-----A-----A-----C-----A-----
-----T-----A-----T-G-A-----C-----G-----T-----CC-----T-AC-G-----GTAC-----C-----

FH1
FC1
PETALUMA
UK8
PPR
SENDAI-1
BANGSTON
AOMORI-1
AOMORI-2
SENDAI-2
TM2
YOKOHAMA
SHIZUOKA
FUKUOKA

201: ACATGGCAGAAGAGAACAATATGGATCTAGTAAAGAAATTGATATGGCAATTACCACTTTAAAGTTTTCAGTAGCTGGAATTTTAAATATGACTGTG

-----A-----A-----A-----T-----C-----GTG-A-----C-----G-----A-----C-----G-----
-----A-AA-----A-----T-----C-----C-----TG-----C-----A-----
-----A-AA-----A-----T-----C-----C-----A-A-----C-----TG-----C-----A-----
-----A-AA-----A-----T-----C-----T-T-A-----C-----A-----A-----
-----A-AA-----A-----T-----C-----T-G-C-----T-A-----C-----G-----TA-----C-----A-----
-----A-----GTT-----G-A-----C-----A-----
-----G-----A-----C-----A-----
-----G-----A-----C-----A-----
-----A-----C-----G-----G-----A-----C-----A-----
-----G-AA-----G-GA-----T-----C-----C-----CCT-----C-----A-----G-C-----T-----A-----
CT-----C-----A-----C-----A-----C-TA-T-C-----A-----

TCTACTGCCGAGCAGCTGAACACATGTATGCTCAGATGGGATAGATACCAGACCATCTATAAAAGAAAGGTGGGGGAAAAGAAGGACCTCCACAGG 400

-----A-----A-----A-----A-----C-----T-----G-----G-----CA-----T-----G-----C-----
-----T-T-----A-T-----A-----C-----T-----C-----G-----C-----A-----G-----C-----
-----T-T-----A-T-----A-----C-----T-----G-----C-----G-----CA-----A-----G-----C-----
-----T-T-----A-T-----A-----C-----T-----G-----C-----G-----CA-----A-----G-----C-----
-----T-T-----A-T-----A-----C-----T-----G-----C-----G-----CA-----A-----G-----A-C-----
-----A-----A-----T-----C-----A-----A-----G-----
-----A-----A-----T-----C-----A-----A-----G-----
-----A-----A-----T-----C-----A-----A-----G-----
-----A-----A-----T-----C-----A-----A-----G-----
-----A-----A-----T-----C-----A-----A-----G-----
-----TA-T-C-----A-T-----T-----T-----G-G-CA-A-----G-T-----G-AG-----
T-----A-----T-----T-----G-G-CA-A-----T-G-AG-----G-----

FIG. 4A

FH1 801:GGCAGCCATAAAAGCTAAATCTCCCCGAGCAGTGCAATTGAAGCAAGGAGCTAAAGAGGATTATTCCTCATTTATAGATAGATTATTTGCTCAAATAGAT
 FC1
 PETALUMA
 UK8
 PPR
 SENDAI-1
 BANGSTON
 AOMORI-1
 AOMORI-2
 SENDAI-2
 TM2
 YOKOHAMA
 SHIZUOKA
 FUKUOKA

CAAGAGCAGAACACAGCTGAAGTAAAGCTGTATTTAAAAAATCTTTGAGCATAGCCCAATGCTAACCCAGATTGTAAAAGGCAATGAGTCATCTTAAAC 1000

FH1 1001: CAGAGAGTACTTTAGAGGAAAACTGAGAGCCTGTCAAGAGGTAGGATCACCAGGATATAAAATGCAGTTGTTAGAGAGCTCTTACAAGGGTTGAGAC
 FC1
 PETALUMA
 UK8
 PPR
 SENDAI-1
 BANGSTON
 AOMORI-1
 AOMORI-2
 SENDAI-2
 TM2
 YOKOHAMA
 SHIZUOKA
 FUKUOKA

AGTTCAAACAGAGGATCTAGACCAACGTGTTTCAATTGTAAAAAACAGGCCACCTGGCCAAACAATGTAGAGAGCAAGAGATGTAAACACTGTGGA 1200

FIG. 4C

FH1 1201:AAACCTGGTCACITTAGCTGCTAATTGCTGGCAAAGAGGTAAAAAACCCTGGGAAACGGGAAGATGGGGCCAGCTGCAGCCCCGGTAAACCAAGTGCAGC
 FC1
 PETALUMA -----TG-----C-----T-----G-AA-G--G-ATT-----T-----GC-----G-----A-G-T--A-----
 UK8 -----T-----C-GA-----GG-T-----G-A-T-----T-----GC-----G-----A-----
 PPR -----T-----C-A-T-----G-T-----G-ATT-----T-----GC-----G-----A-G-T-----
 SENDAI-1 -----G-----T-----C-A-T-----G-T-----G-ATT-----GC-----G-----A-G-T-----
 BANGSTON
 AOMORI-1 -----G-----GG-----T-----A--G--G-----A-----
 AOMORI-2
 SENDAI-2 -----G-----C-T-G-----C-A-T-----G-A-C-G--TG-TT-----G-----A-----
 TM2
 YOKOHAMA
 SHIZUOKA
 FUKUOKA

AAATGGT***GCCATCTGCACCTCCAATGGAAGACAGGAAATTGTTAGATTATAA 1353

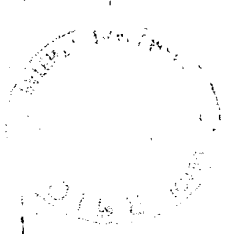
 --GCA--AAT-----G--G-AACT--GATTTA-A-
 -GGCA--AAT-----G--G-ACT--GATTTA-A-
 --CA--AAT-----G--A-AATT--GATTTA-A-A

--GCA--AATA-----T--A-G-G-AACT--GATTTA-A-

---A--***A-----G--G-AACT--AGATTTA-A-

--GCA--***-----T-----G-----G-A-TTG--AGATTTA-A-

FIG. 4D



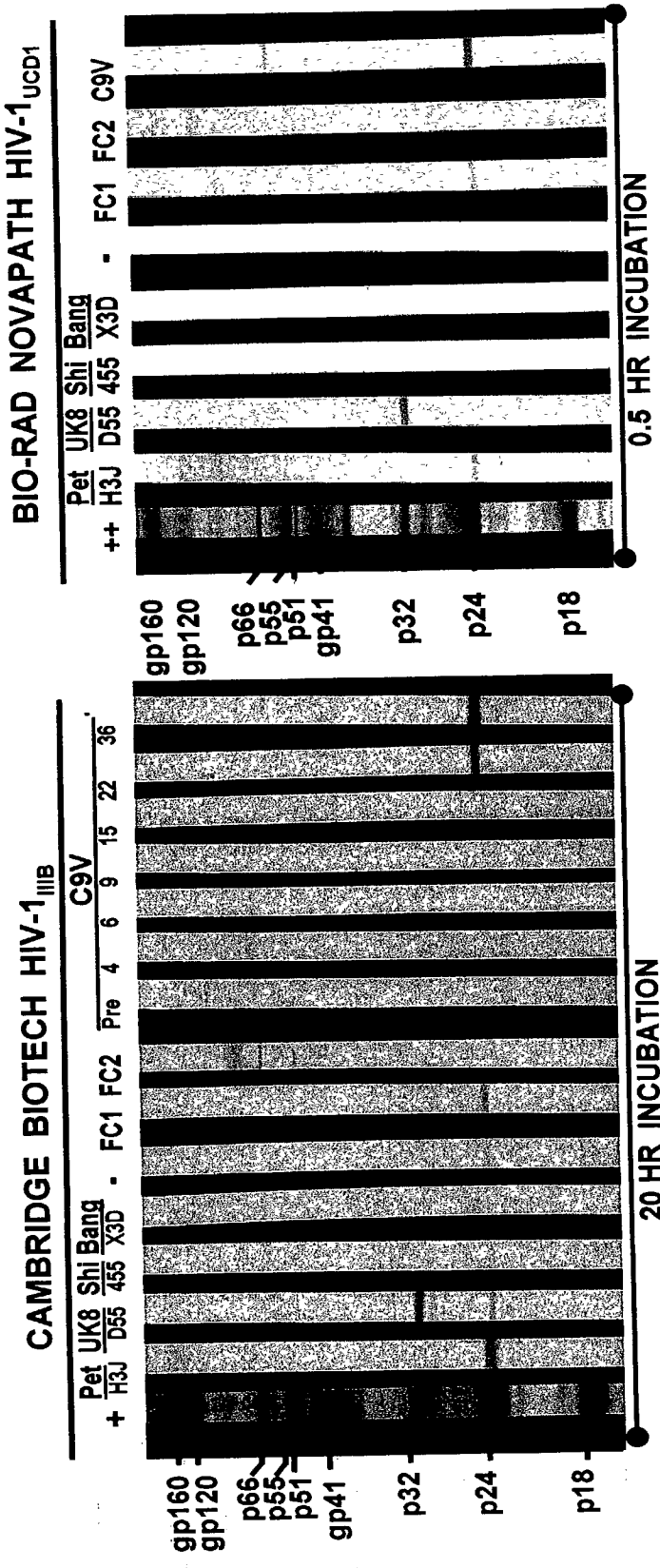
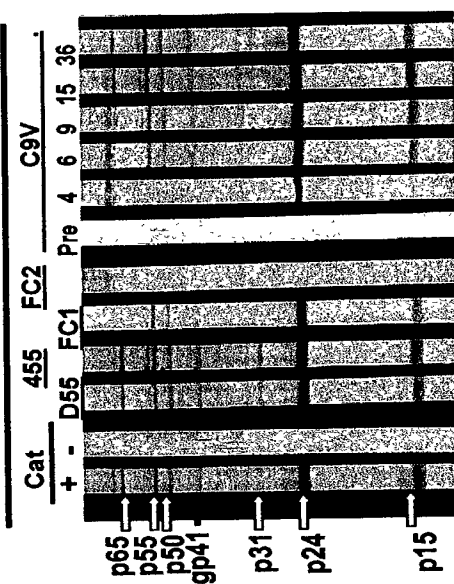
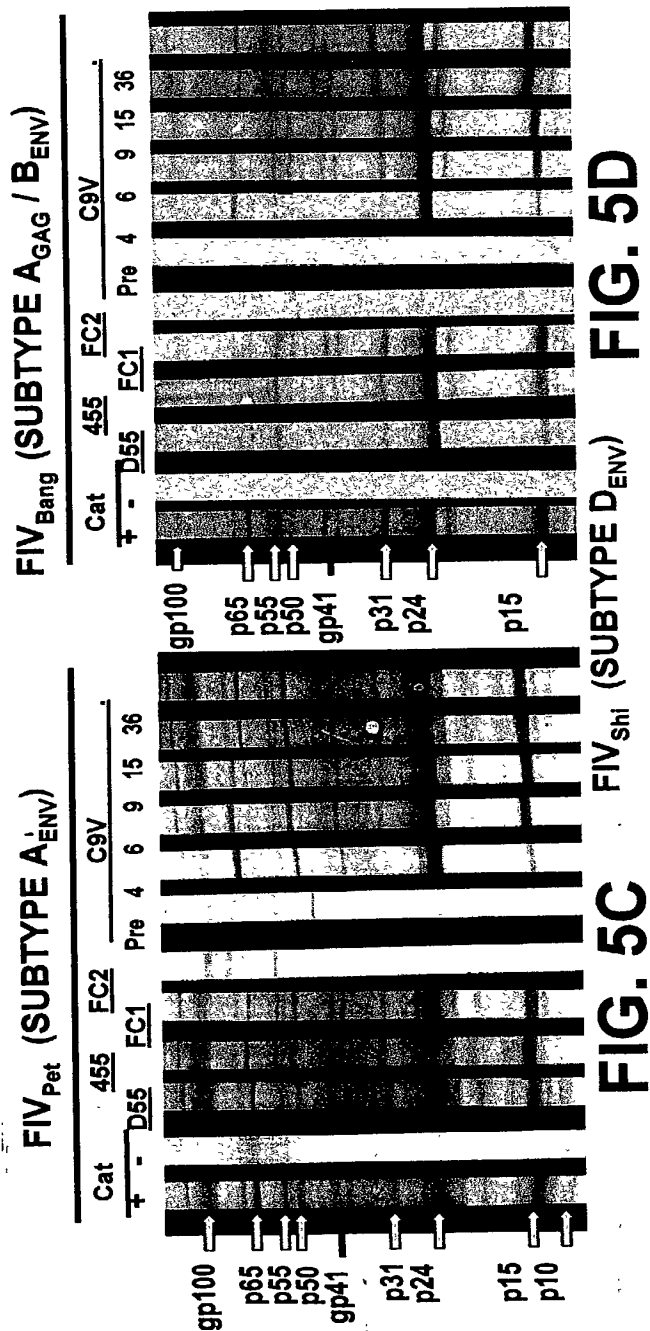


FIG. 5A

FIG. 5B



FIV – INFECTED CATS

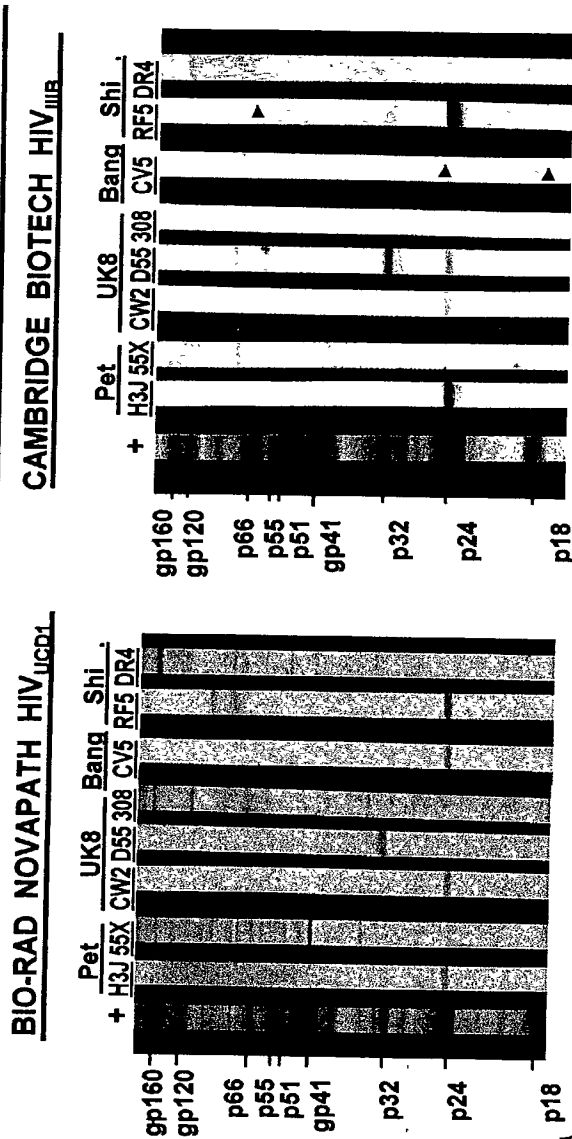


FIG. 6A.

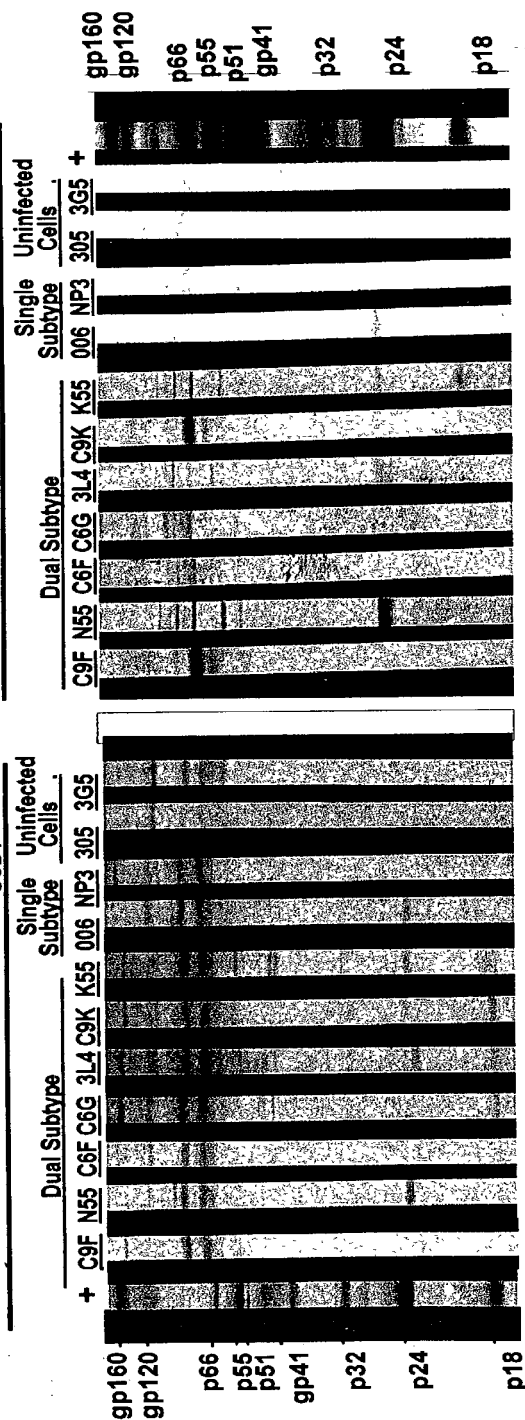
CAMBRIDGE BIOTECH HIV_{III}BBIO-RAD NOVAPATH HIV_{UCD1}

FIG. 6B

CAMBRIDGE BIOTECH HTLV-1/II

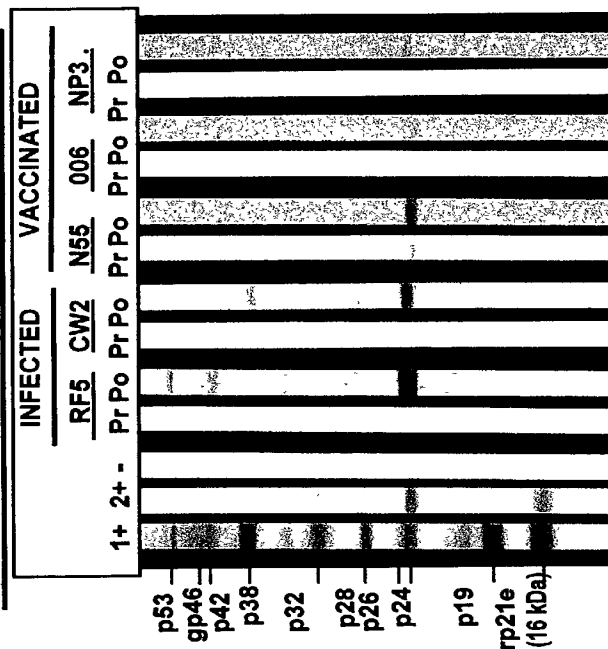
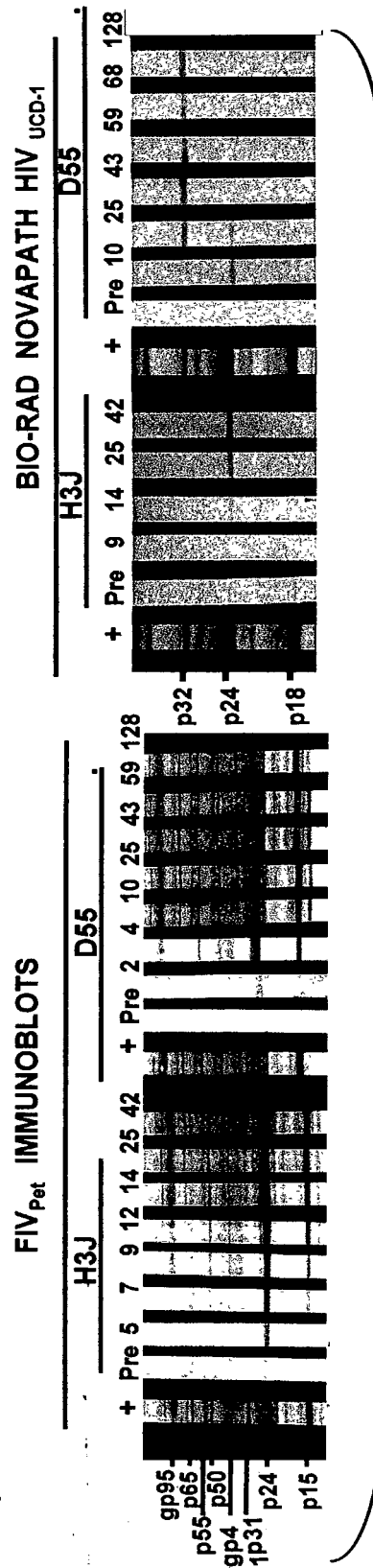


FIG. 6C



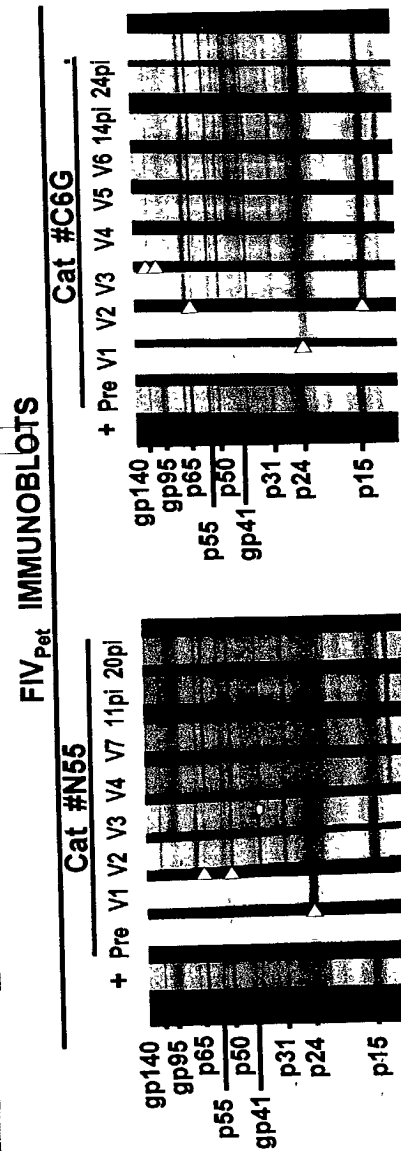
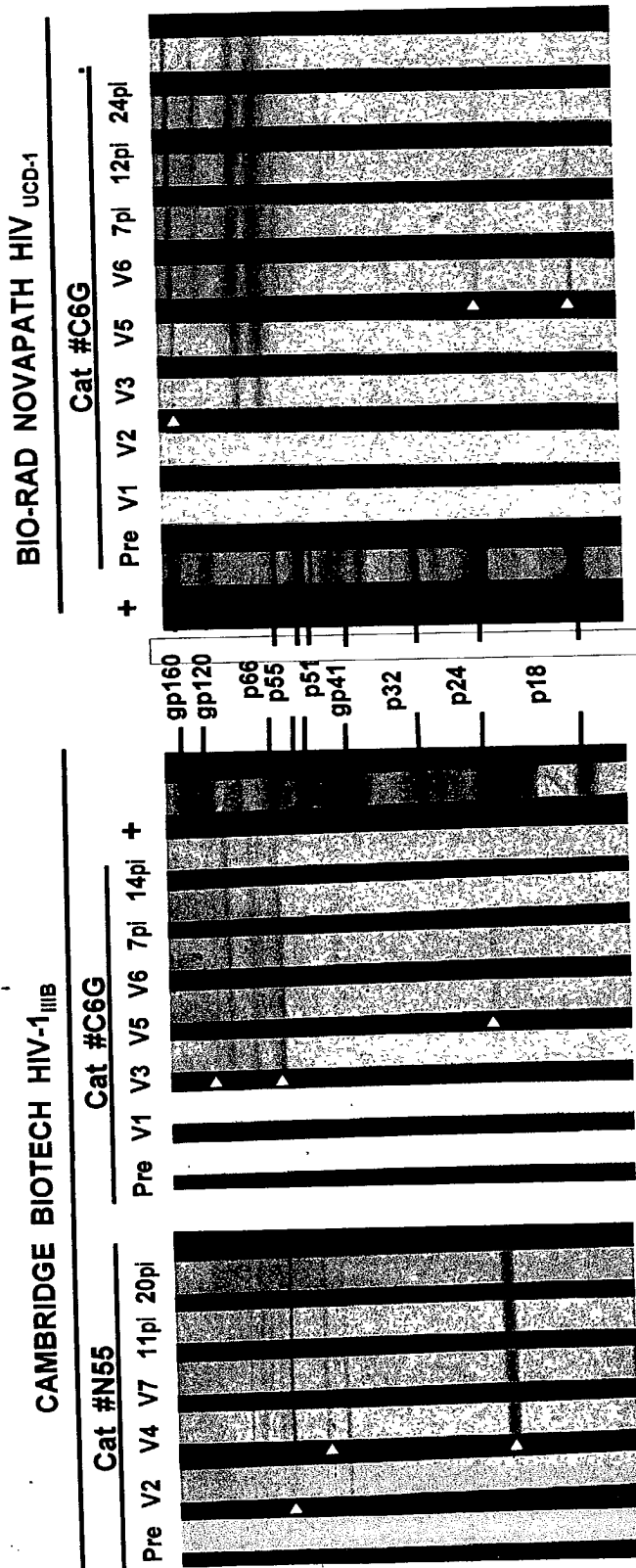


FIG. 7B

FIV-INFECTED CELL ABSORPTION & FIV VIRUS COMPETITION

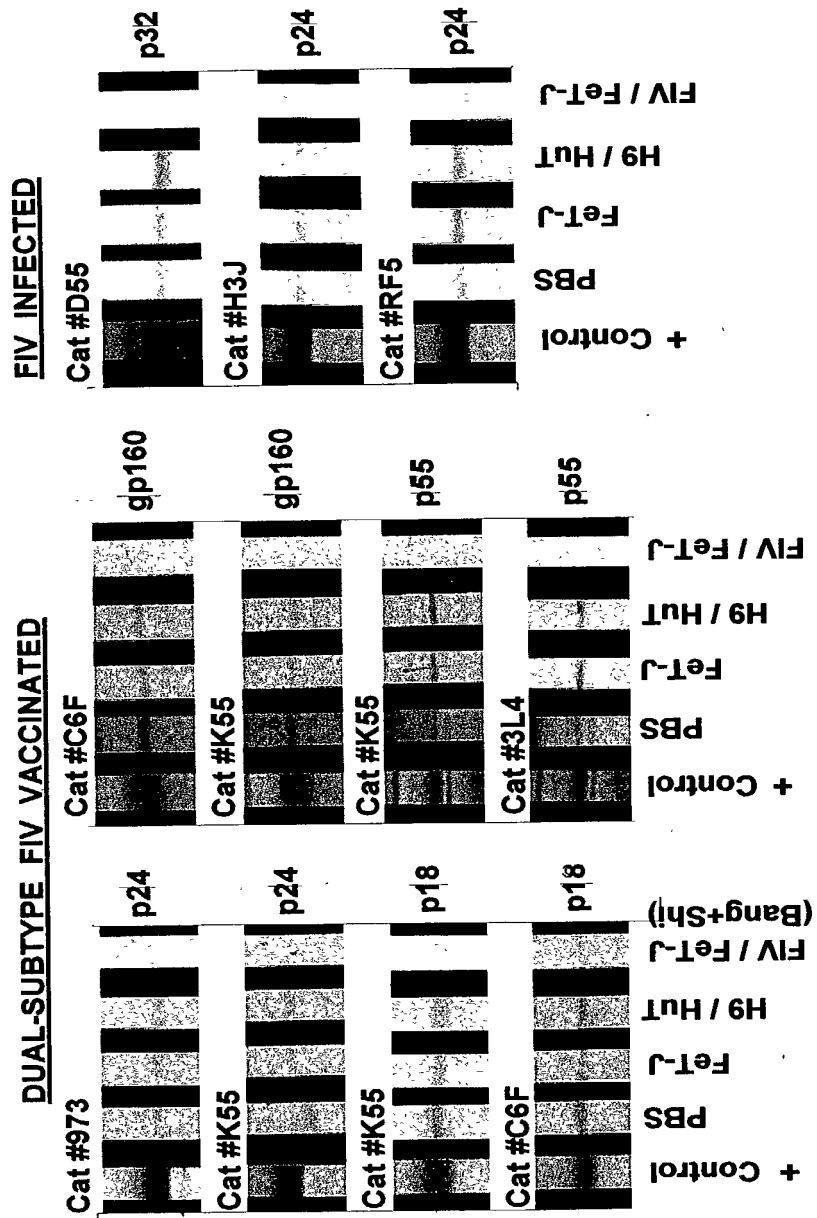
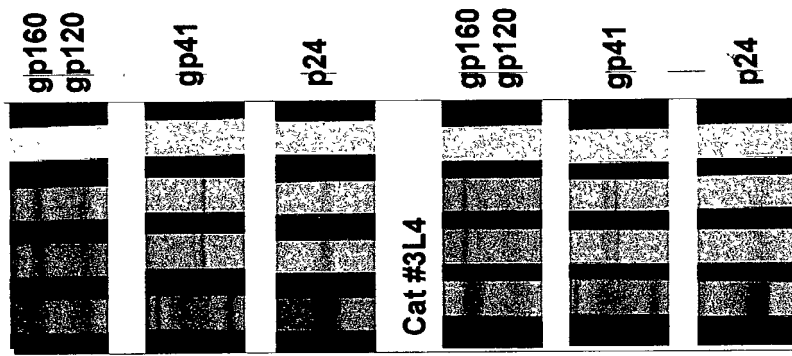


FIG. 8A

HIV-INFECTED CELL ABSORPTION

DUAL-SUBTYPE FIV VACCINATED

Cat #973



+ Control
PBS
H9 / H9T
HIV / H9T

FIG. 8B

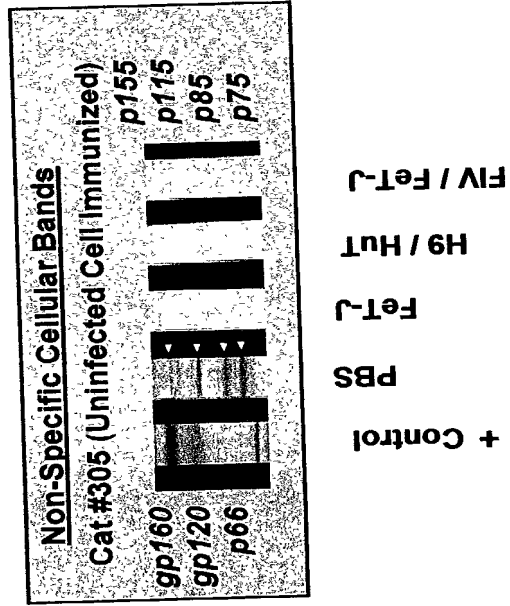


FIG. 8D

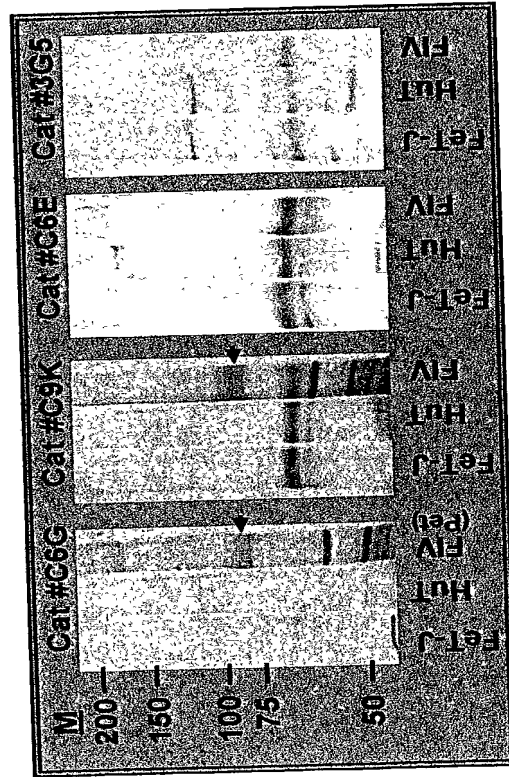


FIG. 8C

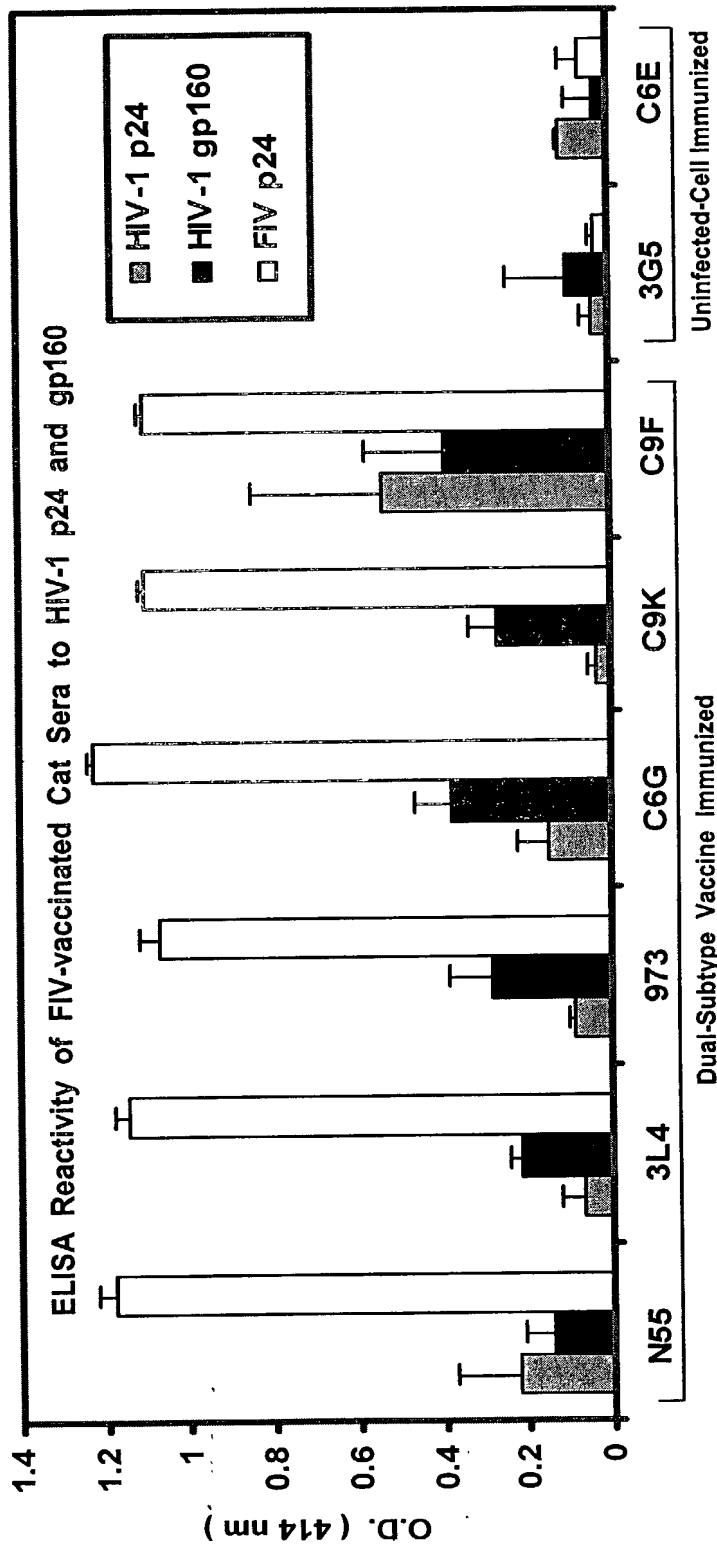


FIG. 9A

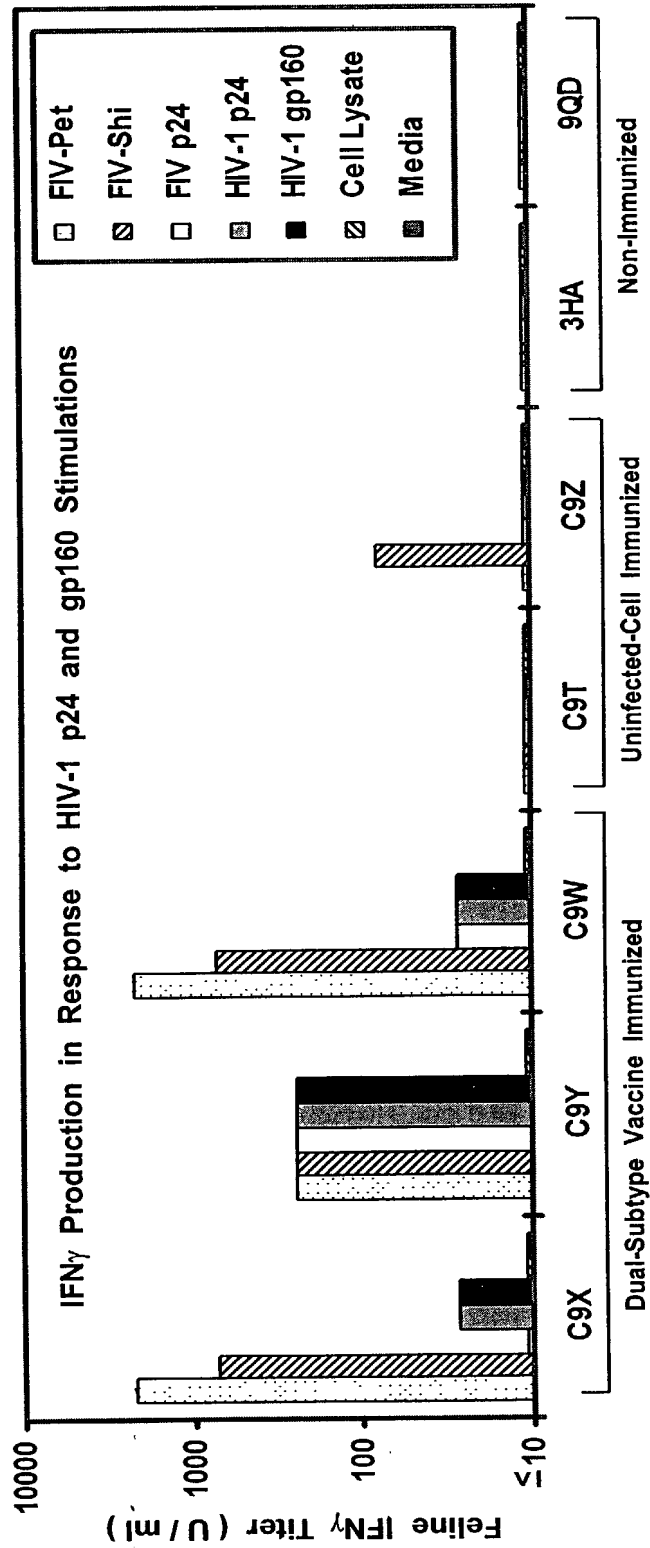


FIG. 9B

Consensus --C-GC-GCTGAA-A-ATGTA,-CTCA-ATGGGATTAGA-AC-AG-CCATCT---A--GA-----GG-GGAAA-G--G 385
 Pet gag TGCTGCAGCTGAAAAATATGTATTCTCAAAATGGGATTAGACACTAGGCCATCTATGAAAGAAGCAGGTGAAAAAGAGG 385
 Bang TGCTGCAGCTGAAAAACATGTATACTCAGATGGGATTAGACACCCAGGCCATCTACAAGAGAAGCAGGAGGAAAAAGAGG 385
 JSY3 gag O TGCTGCAGCTGAAAAATATGTACACTCAGATGGGATTAGACACTAGACCATCTATGAGAGAAGCAGGAGGAAAAAGAGG 385
 UK8 gag TGCTGCAGCTGAAAAATATGTATACTCAGATGGGATTAGACACTAGACCATCTACAAAAGGAAGCTGGAGGAAAAAGAGG 385
 Shizuoka TACTGCCGCTGAAAAATATGTATGCTCAGATGGGATTAGATACTAGACCATCTTTAAAGGAGGAGGAGGAAAAAGGTAG 133
 Aomori 1 CACAGCAGCTGAAAAATATGTATGCTCAGATGGGATTAGACACAGACCATCTATAAAAGAAAAGTGGGGGAAAAAGAG 133
 TM2 gag CACAGCAGCTGAAAAATATGTATGCTCAGATGGGATTAGACACAGACCATCTGTAAAAGAAAAGTGGGGGAAAAAGAG 385
 RT Forward -----0
 RT Probe -----0
 RT Reverse -----0
 FC1 GAG CGCAGCAGCTGAACACATGTATGCTCAGATGGGATTAGATACCAGACCATCTATAAAAGAAAAGTGGGGGAAAAAGAG 385
 A9=4 -----0
 B4=5 -----0

Consensus A--G--CCTCCACAGGC-T-TCCTAT-CAACA--AAATGGAG-ACCA-A--A-GTAGC-CT-GA-CC-AAAAATGGT 462
 Pet gag AAGGC-CCTCCACAGGCATATCCTATTCAAAACAGTAAATGGAGTACCACAATATGTAGCACTTGACCCCAAAAATGGT 461
 Bang AAAGC-CCTCCACAGGCATATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGCACCACAATATGTAGCACTTGACCCCAAAAATGGT 461
 JSY3 gag O AAAGC-CCTCCACAGGCATCTCCTATTCAAACAGCAAAATGGAGCACCACAATATGTAGCACTTGACCCCAAAAATGGT 461
 UK8 gag AAGGC-CCTCCACAGGCATATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGCACCACAATATGTAGCTCTTGACCCCAAAAATGGT 461
 Shizuoka A-GGAGCCTCCACAGGCATATCCTATCCAAACAATAAATGGAGCACCACAATATGTAGCCCTGGATCCTAAAATGGT 209
 Aomori 1 AAGGA-CCTCCACAGGCTTATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGCACCACAGTATGTAGCCCTTGATCCAAAATGGT 209
 TM2 gag AAGGA-CCTCCACAGGCTTATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGCACCACAGTATGTAGCCCTTGATCCAAAATGGT 461
 RT Forward --AGC-CCTCCACAGGCATCTC-----19
 RT Probe -----31
 RT Reverse -----TTGACCCCAAAAATGGT 16
 FC1 GAG AAGGA-CCTCCACAGGCTTATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGCACCACAGTATGTAGCCCTTGACCCCAAAAATGGT 461
 A9=4 -TAGC-CCTCCACAGGCATATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGTACCATAACACGTAGCACTTGACCCCAAAAATGGT 75
 B4=5 --AGC-CCTCCACAGGCATATCCTATTCAAACAGTAAATGGAGTACCACAATATGTAGCGCTTGACCCCAAAAATGGT 74

FIG. 10A

Consensus GTC-A-TTT-ATGA-AA-GDAAGAGA-GG--TAGGAGG-GA-GA-GT-CA--T-TGGTT-AC-GC-TT-TC-GC-A 539
 Pet gag GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGACTAGGAGGTGAGGAAGTTCAACTATGGTTTACTGCGTTCTCTGCAA 538
 Bang GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGACTAGGAGGTGAGGAAGTTCAATATATGGTTTACTGCGTTCTCTGCAA 538
 JSY3 gag O GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGATTAGGAGGTGAGGAAGTTCAAGTTCAGCTATGGTTTACTGCGTTCTCTGCAA 538
 UK8 gag GTCTATTTTCATGGAAGGCAAGAGAGGGTTAGGAGGTGAAGAGTTCAACTATGGTTTACAGCCCTTCTCTGCAA 538
 Shizuoka GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGATTAGGAGGAGAGGAGGTCCAACTATGGTTTACTGCAATTTTCAGCTA 286
 Aomori 1 GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGGGCTAGGAGGTGAGGAGGTCCAACTGTGGTTTACAGCCCTTTTCAGCTA 286
 TM2 gag GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGGGCTAGGAGGTGAGGAGGTCCAACTGTGGTTTACAGCCCTTTTCAGCTA 538
 RT Forward ----- 19
 RT Probe ----- 31
 RT Reverse GTCCA----- 21
 FC1 gag GTCCATTTTATGGAAGGCAAGAGAGGGGCTAGGAGGTGAGGAGGTCCAACTGTGGTTTACAGCCCTTTTCAGCTA 538
 A9=4 G----- 76
 B4=5 GTCCAA----- 80

Consensus AT-TAAC--C-ACTGA-ATGGC-ACATTAAT-ATG-C-GC-CC-GG-TG-GC-GCAG-TAA-GA-AT--T-GA-GAA 616
 Pet gag ATTTAACACCTACTGACATGGCCACATTAATAATGGCCGCACAGGGTGGCTGCAGATAAAGAAATATTGGATGAA 615
 Bang ATTTAACACCTACTGACATGGCCACATTAATAATGGCCGCACAGGGTGGCTGCAGATAAAGAAATATTGGANGAA 615
 JSY3 gag O ATTTAACACCTACTGACATGGCCACATTAATAATGGCCGCACAGGGTGGCTGCAGATAAAGAAATATTGGATGAA 615
 UK8 gag ATTTAACACCTACTGACATGGCCACATTAATAATGGCCGCACAGGGTGGCTGCAGATAAAGAAATATTGGATGAA 615
 Shizuoka ATCTAACATCAACTGATATGGCTACATTAATCATGTCTGCACCCAGGTGTGTGCAGCAGATAAAGGAGATCTTAGATGAA 363
 Aomori 1 ATTTAACATCAACTGATATGGCTACATTAATTAATGTCCGCACCTGGCTGTGCAGCAGTTAAAGAAATCTTAGATGAA 363
 TM2 gag ATTTAACATCAACTGATATGGCTACATTAATTAATGTCCGCACCTGGCTGTGCAGCAGATAAAGAAATCTTAGATGAA 615
 RT Forward ----- 19
 RT Probe ----- 31
 RT Reverse ----- 21
 FC1 gag ATTTAACCTCAACTGATATGGCTACATTAATTAATGTCTGGCCTGGCTGTGCAGCAGATAAAGAGATCTTAGATGAA 615
 A9=4 ----- 76
 B4=5 ----- 80

FIG. 10B